



Universitätsklinikum Magdeburg A.ö.R.			
Institut für Pathologie		MP Einsendeschein Molekularpathologie	
Revision: 002/09.2023	Seite 1 von 2	Dokumenten-ID: 9447	Status: freigegeben

Patient	Einsender (Arztstempel)	An:
Name:		Universitätsklinikum Magdeburg
Vorname:		Institut für Pathologie
Geb.-Datum:	Datum:	z.Hd. Dr. rer. nat. S. Franke
		Leipziger Str. 44
		39120 Magdeburg
		Tel.: (0391) 67 15807
		Fax: (0391) 67 290123
		molekularpathologie@med.ovgu.de



Versicherungsstand:

- KV-Patient – Ü-Schein liegt bei :
- Stationär
- Privat – Adresse des Patienten angeben:

Paraffinblock Nr.:

- Liegt bei:
- Bei Ihnen

<p>Next Generation Sequencing - Panel</p> <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> HANDLE Classic NGS Panel (Mutationen/Genfusionen in 40 Genen inklusive MSI)* <input type="checkbox"/> BRCA-Panel <input type="checkbox"/> HRR-Panel (Mutationsanalyse von 27 HRR Genen +26 Chemotherapie-relevante SNPs)* <p>• Genlisten auf Seite 2</p> <p>PCR-Analysen/Sangersequenzierung</p> <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> ALK/ROS1/RET/MET-Tranlokationen (FFPE-RNA) <input type="checkbox"/> BRAF Codon 600 <input type="checkbox"/> EGFR Exon 18,19,20,21 (FFPE, Liquid Biopsy) <input type="checkbox"/> EGFR T790M bei Resistenz (FFPE, Liquid Biopsy) <input type="checkbox"/> GNAS Exons 8,9 <input type="checkbox"/> IDH1/IDH2 Codons 132,140,172 <input type="checkbox"/> KIT Exons 9,11 <input type="checkbox"/> KIT Exons 13,14,17,18 (bei Resistenz) <input type="checkbox"/> KRAS Codons 12,13,59,61,117,146 <input type="checkbox"/> MSI (Nachweis von 8 Mononukleotidmarkern) <input type="checkbox"/> MYD88 Exon 5 <input type="checkbox"/> NRAS Codons 12,13,59,61,117,146 <input type="checkbox"/> NTRK-Fusionen (FFPE-RNA) <input type="checkbox"/> PDGFRA Exon 18 <input type="checkbox"/> PDGFRA Exons 12,14 (bei Resistenz) <input type="checkbox"/> PIK3CA Exons 9,21 <p>Mikrosatellitenanalyse</p> <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Grading kolorektales Karzinom <input type="checkbox"/> Vor Immuntherapie <input type="checkbox"/> HNPCC/Lynch-Syndrom (bei MMRp-Status) 	<ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Erregerdiagnostik <input type="checkbox"/> HPV Easy Screening (nur HPV16,18) <input type="checkbox"/> HPV-Typisierung (32 Genotypen; high/medium/low risk) <input type="checkbox"/> Mycobakterien/TBC (mit Typisierung) <p>FISH/CISH</p> <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> ALK-Translokation <input type="checkbox"/> EBER-EBV <input type="checkbox"/> ERBB2 (Her2neu)-Amplifikation <input type="checkbox"/> EWSR-Translokation <input type="checkbox"/> FGFR1-Fusion <input type="checkbox"/> FGFR2-Fusion <input type="checkbox"/> FGFR3-Fusion <input type="checkbox"/> FUS-Translokation <input type="checkbox"/> MDM2-Amplifikation <input type="checkbox"/> MET-Amplifikation <input type="checkbox"/> NTRK1-Fusion <input type="checkbox"/> NTRK2-Fusion <input type="checkbox"/> NTRK3-Fusion <input type="checkbox"/> ROS-Translokation <p>Immunhistochemie (prädiktive Marker)</p> <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> ALK-Expression (D5F3) <input type="checkbox"/> EGFR-Expression <input type="checkbox"/> ERBB2 (Her2-neu)-Expression <input type="checkbox"/> MMR (MLH1, MSH2, MSH6, PMS2)-Expression <input type="checkbox"/> Pan-Trk-Expression (NTRK1,2,3) <input type="checkbox"/> PD-L1-Expression <input type="checkbox"/> ROS-Expression
Klinische Diagnose:	Bemerkungen:

Universitätsklinikum Magdeburg A.ö.R.		 	
Institut für Pathologie		MP Einsendeschein Molekularpathologie	
Revision: 002/09.2023	Seite 2 von 2	Dokumenten-ID: 9447	Status: freigegeben

HANDLE Classic NGS Panel

AKT1	ALK	BRAF	CDK4	CTNNB1	DDR2	DPYD	EGFR
ERBB2	ESR1	FGFR1	FGFR2	FGFR3	FGFR4	HRAS	IDH1
IDH2	KEAP1	KIT	KRAS	MAP2K1	MET	MYC	NFE2L2
NKX2-1	NRAS	NRG1	NTRK1	NTRK2	NTRK3	PDGFRA	PIK3CA
POLE	PTEN	RB1	RET	ROS1	STK11	TP53	UGT1A1

Nachweis von Mutationen (SNVs, InDels) und Genfusionen oder CNV (zusätzlich für fett gedruckte Gene) in 40 therapie relevanten Genen. Enthalten auch MET-Exon14 Skipping und Mikrosatelliten-Analyse (55 Mononukleotid-Marker)

HRR-Panel

AR	ATM*	ATR	BARD1*	BRAF	BRCA1*
BRCA2*	BRIP1*	CDH1	CDK12*	CHEK1*	CHEK2*
ERBB2	ESR1	FANCA	FANCL*	HDAC2	HOXB13
KRAS	MRE11A	NBN	NRAS	PALB2*	PIK3CA
PPP2R2A*	PTEN	RAD51B*	RAD51C*	RAD51D*	RAD54L*
STK11	TP53				

*enthält 15 in der PROfound Studie zum Prostatakarzinom untersuchte Gene - weitere Target-Regionen der 26 Chemotherapie-relevanten SNPs auf Anfrage